

pISSN 0440-2413
eISSN 2383-9902

Korean Journal of Microbiology

Vol. 58, No. 2 | pp. 61-108 | June 2022

제58권 제2호 2022년 6월

미생물학회지 <http://www.kjom.org>

박진숙(한남대학교)

“해면동물 *Callyspongia ramosa*와 *Callyspongia confoederata*의 마이크로바이옴 분석”, p.75

SCOPUS



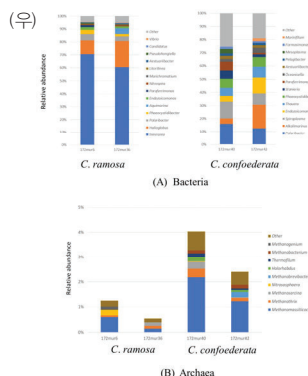
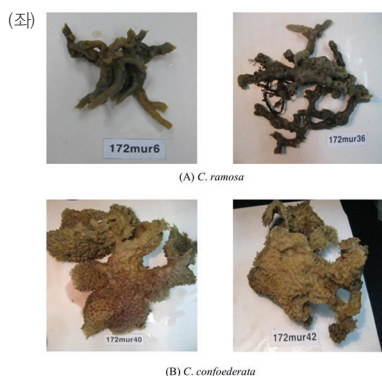
사단
법인 **한국미생물학회**
The Microbiological Society of Korea

환경·생태

- 61 High-throughput sequencing-based analysis of bacterial communities associated with the gut microbiota of Indian and Pacific white shrimps
Sudeep Darbhe Ghate, Girisha Shivani Kallappa, Vinay Tharabenahalli Nagaraju, and Prasanna Kumar Patil
- 67 동해 동근성계의 장내 미생물 군집 구조 분석 및 비교
김민지 · 차인태 · 박수제
- 75 해면동물 *Callyspongia ramosa*와 *Callyspongia confederata*의 마이크로바이옴 분석
김유진 · 김경호 · 이준표 · 박진숙

미생물유전체

- 85 한국인 유아 분변에서 분리한 프로바이오틱스 후보 균주 *Lacticaseibacillus rhamnosus* LDTM 7511의 유전체 염기서열
여소영 · 박현준 · 김병국 · 허철성
- 88 온천으로부터 분리된 *Methylococcus geothermalis* IM1^T 균주의 유전체 염기서열
사무엘 이미시 아왈라 · 곽주한 · 김용만 · 서찬미 · 이성근
- 91 콩에서 동정한 soybean dwarf virus의 전체 유전체 서열
조연화 · 최호성 · 이봉춘 · 홍진성 · 조원경
- 96 남극해 서식 불가사리(*Pterocirrus* sp.)에서 분리한 *Pseudoalteromonas* sp. strain SiA1의 유전체 염기서열
전규원 · 강시아 · 이영준 · 김덕규 · 김응빈
- 99 알코올 발효 개시제로부터 분리한 *Rhizopus delemar* SSU VMBB-02 균주의 유전체 염기서열
임재윤 · 서정아
- 102 제주 말 분변 유래 *Brachy bacterium* sp. JHP9의 유전체 염기서열
이명립 · 아딜 파로크 · 정만영 · 김소정
- 105 국내 육계에서 분리한 *Salmonella enterica* subsp. *enterica* serovar Enteritidis를 특이적으로 감염하는 *Zindervirus* 파지 vB_SenAt-pSL2의 전장 유전체 분석
박선영 · 권혜민 · 김준섭 · 서성원 · 김지형



표지 논문 설명

제주도에서 수집된 *Callyspongia* 속에 속하는 두 종의 해면동물의 마이크로바이옴을 분석하였으며 종에 따라 숙주 특이성을 가지고 있음을 관찰하였다.

(좌) 해면동물 시료의 모습. (우) 속 수준 (A) 세균과 (B) 고균의 숙주 종 별 다양성. (B) 가장 우점하는 *Nitrosopumilus* 속(96.7~99.6%)은 제외하였다

Ecology and Environmental Microbiology

- 61 **High-throughput sequencing-based analysis of bacterial communities associated with the gut microbiota of Indian and Pacific white shrimps**
Sudeep Darbhe Ghate, Girisha Shivani Kallappa, Vinay Tharabenahalli Nagaraju, and Prasanna Kumar Patil
- 67 **The gut microbiota of the globular sea urchin, *Strongylocentrotus nudus*, from its natural habitat**
Minji Kim, In-Tae Cha, and Soo-Je Park
- 75 **Microbiome analysis of sponges *Callyspongia ramosa* and *Callyspongia confederata***
Youjin Kim, Kyoung-Ho Kim, Junpyo Lee, and Jin-Sook Park

Genome Announcements

- 85 **Complete genome sequence of a potential probiotic *Lactocaseibacillus rhamnosus* strain LDTM 7511, isolated from Korean infant feces**
Soyoung Yeo, Hyunjoon Park, Byoung Kook Kim, and Chul Sung Huh
- 88 **Complete genome sequence of *Methylococcus geothermalis* IM1^T isolated from a geothermal field**
Samuel Imisi Awala, Joo-Han Gwak, Yong-Man Kim, Chanmee Seo, and Sung-Keun Rhee
- 91 **Complete genome sequence of soybean dwarf virus infecting soybean (*Glycine max* L.)**
Yeonhwa Jo, Hoseong Choi, Bong Choon Lee, Jin-Sung Hong, and Won Kyong Cho
- 96 **Whole genome sequence of a *Pseudoalteromonas* sp. strain SiA1 isolated from a *Pterocirrus* species in the Antarctic Ocean**
Kyuwon Jeon, Sia Kang, Young Jun Lee, Dockyu Kim, and Eungbin Kim
- 99 **Draft genome sequence of *Rhizopus delemar* SSU VMBB-02 isolated from alcohol fermentation starter culture**
Jae Yun Lim and Jeong-Ah Seo
- 102 **Draft genome sequence of *Brachybacterium* sp. JHP9 isolated from horse feces in Jeju Island**
Myunglip Lee, Adeel Farooq, Man-Young Jung, and So-Jeong Kim
- 105 **Complete genome sequence of *Zindervirus* phage vB_SenAt-pSL2 infecting *Salmonella enterica* subsp. *enterica* serovar Enteritidis from Korean broiler chickens**
Seon Young Park, Hyemin Kwon, Jun Seob Kim, Seongwon Seo, and Ji Hyung Kim